

INTERPRETATION TABLE								
DQB1*03 SSP subtyping								
Amplification patterns of the DQB1*0301 to DQB1*0320 alleles								
	Tube <sup>5</sup>							
	1	2	3	4	5	6	7	8
Length of spec.	165	220	135	190	135	95	115	110
PCR product				220		130		140
								220
Length of int.	515	515	515	515	430	430	430	430
pos. control <sup>1</sup>								
5'-primer(s) <sup>2</sup>	45	26	26	26	26	26	38	27
	5'-g gA <sup>3'</sup>	5'-T TA <sup>3'</sup>	5'-T CT <sup>3'</sup>	5'-T CT <sup>3'</sup>	5'-T TA <sup>3'</sup>	5'-g gg <sup>3'</sup>	5'-g CA <sup>3'</sup>	5'-TT C <sup>3'</sup>
				135		38		49
				5'-T gA <sup>3'</sup>		5'-AC A <sup>3'</sup>		5'-g gT <sup>3'</sup>
3'-primer(s) <sup>3</sup>	86	86	57	86	57	55	62	86
	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-C gg <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-C gg <sup>3'</sup>	5'-g Cg <sup>3'</sup>	5'-CT A <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>
				185				
				5'-Cg A <sup>3'</sup>				
Tube No.	1	2	3	4	5	6	7	8
DQB1 allele <sup>4</sup>								
*030101-030102	+	+						
*030103	+	+						
*030201-030204			+	+				
*030302-030303				+				
*0304	+	+			+			
*030501-030504				+		+		
*0306				+			+	
*0307			+	+				+
*0308			+	+				
*0309	+	+						
*0310		+						
*0311			+	+				
*0312				+				
*0313	+	+						
*0314		+			+			
*0315				+				+
*0316	+	+						+
*0317						+		
*0318			+	+				+
Tube No.	1	2	3	4	5	6	7	8

<b>Length of spec.</b>	<b>165</b>	<b>220</b>	<b>135</b>	<b>190</b>	<b>135</b>	<b>95</b>	<b>115</b>	<b>110</b>
<b>PCR product</b>				<b>220</b>		<b>130</b>		<b>140</b>
<b>Tube No.</b>	<b>1</b>	<b>2</b>	<b>3</b>	<b>4</b>	<b>5</b>	<b>6</b>	<b>7</b>	<b>8</b>
*0319	+	+		+				
*0320				+		+		
*020101-0202, 0204, 0205			+	+				
*0203, 0401, 0402				+				
*060101-060103								
*060302								
*0629			+					
DQB1 allele <sup>4</sup>								
<b>Tube No.</b>	<b>1</b>	<b>2</b>	<b>3</b>	<b>4</b>	<b>5</b>	<b>6</b>	<b>7</b>	<b>8</b>

INTERPRETATION TABLE								
DQB1*03 SSP subtyping								
Amplification patterns of the DQB1*0301 to DQB1*0320 alleles								
Tube <sup>5</sup>								
9	10	11	12	13	14	15	16	
135	135	135	260	165	130	135	130	Length of spec. PCR product
	220							
	260							
430	430	430	515	430	515	515	430	Length of int. pos. control <sup>1</sup>
38	14	13	13	26	26	55	57	5'-primer(s) <sup>2</sup>
5'-g CA <sup>3'</sup>	5'-gC C <sup>3'</sup>	5'-g gC <sup>3'</sup>	5'-g gC <sup>3'</sup>	5'-T TA <sup>3'</sup>	5'-T TA <sup>3'</sup>	5'-g CC <sup>3'</sup>	5'-T gA <sup>3'</sup>	
	27							
5'-TT C <sup>3'</sup>								
	135							
5'-T gA <sup>3'</sup>								
70	86	45	86	67	55	86	86	3'-primer(s) <sup>3</sup>
5'-CCC <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-CC C <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-g gT <sup>3'</sup>	5'-g Cg <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	5'-g CT <sup>3'</sup>	
	167				55			
5'-C AT <sup>3'</sup>				5'-g gg <sup>3'</sup>				
9	10	11	12	13	14	15	16	Tube No.
								DQB1 allele <sup>4</sup>
			+		+	+	+	*030101-030102
			+		+	+		*030103
					+			*030201-030204
					+	+		*030302-030303
			+		+	+		*0304
						+		*030501-030504
						+		*0306
						+		*0307
+						+		*0308
	+		+		+	+	+	*0309
		+	+		+	+	+	*0310
	+					+		*0311
		+	+			+	+	*0312
			+	+	+	+	+	*0313
			+	+	+	+		*0314
						+	+	*0315
				+				*0316
						+	+	*0317
	+					+		*0318
9	10	11	12	13	14	15	16	Tube No.

135	135	135	260	165	130	135	130	Length of spec. PCR product
9	10	11	12	13	14	15	16	Tube No.
			+		+	+	+	*0319
						+	+	*0320
								*020101-0202, 0204, 0205
								*0203, 0401, 0402
		+						*060101-060103
+								*060302
								*0629
9	10	11	12	13	14	15	16	DQB1 allele <sup>4</sup> Tube No.